

Table 3. Expression profile for the genes modulated after *Pe* and *Ecc15* natural infection

Ad	CG	NAME	Septic injury				<i>Pe</i>				<i>Ecc15</i>				<i>gacA::Tn5</i>			
			90	180	360	720	90	180	360	720	90	180	360	720	90	180	360	720
<b>Protease</b>																		
<i>Serine protease</i>																		
*	CG14219	CG14219	0.99	1.15	1.33	0.99	0.89	1.13	1.61	5.69	0.84	1.38	2.79	2.15	1.18	1.07	1.38	1.47
*	CG16749	CG16749	0.91	0.76	1.07	1.17	0.91	0.81	0.86	0.44	1.07	0.69	0.61	0.40	0.92	0.76	1.30	1.12
	CG7170	CG7170	0.82	0.81	0.72	0.79	0.91	1.02	0.66	0.45	0.75	0.71	0.39	0.68	0.75	0.83	0.93	1.07
	CG11912	CG11912	0.89	0.59	0.62	0.74	0.79	0.54	0.43	0.18	0.97	0.58	0.27	0.23	0.90	0.66	1.15	0.50
<i>Others</i>																		
	CG15255	BG:BACR44L22.1	0.91	0.87	1.41	1.24	1.29	1.56	2.74	8.83	1.42	0.99	2.19	1.60	1.03	0.91	1.20	1.36
	CG14526	BcDNA:GH07188	0.89	1.00	0.88	0.76	1.63	1.21	1.36	2.27	1.20	1.92	1.49	2.12	0.99	1.30	1.12	0.96
	CG8196	Ance-4	1.04	0.93	1.01	1.29	1.26	1.16	1.53	2.28	1.24	1.68	2.11	1.83	0.94	1.22	1.12	1.14
	CG17633	CG17633	0.93	0.85	1.01	1.05	1.09	0.94	0.83	0.31	0.95	0.67	0.39	0.28	0.93	0.91	0.90	0.80
	CG8560	CG8560	0.77	0.86	1.00	0.95	0.96	0.90	0.84	0.37	0.88	0.62	0.35	0.31	0.87	0.89	0.85	0.86
	CG3344	CG3344	0.80	0.82	1.07	1.18	0.89	0.91	0.91	0.39	0.85	0.82	0.56	0.45	0.88	0.93	1.12	0.85
<b>Detoxification &amp; stress response</b>																		
<i>GST</i>																		
	CG1681	CG1681	1.62	1.22	1.23	0.84	0.97	1.42	2.10	1.66	1.12	1.92	2.05	1.20	1.11	1.21	1.41	1.19
<i>Cytochromes</i>																		
*	CG10833	Cyp28d1	1.06	1.14	0.93	0.79	0.98	1.45	2.02	1.84	0.95	1.87	2.03	1.39	1.06	1.22	1.51	1.24
	CG3050	Cyp6d5	0.84	1.00	0.94	1.35	0.83	1.17	0.84	0.42	0.95	1.07	0.83	0.38	0.87	1.05	1.02	0.84
<i>Others</i>																		
	CG6214	CG6214	1.18	1.56	1.22	1.25	1.81	2.31	1.74	3.46	1.46	2.02	1.33	1.33	1.28	1.61	1.23	1.26
<b>Cytoskeleton related</b>																		
<i>Actin cytoskeleton</i>																		
	CG7210	kel	1.20	1.23	0.91	0.83	1.86	1.98	1.92	2.24	1.63	2.25	1.78	1.90	1.15	1.56	1.24	1.05
	CG8649	Fim	1.22	1.13	1.24	1.04	1.30	1.57	2.04	3.41	1.34	1.74	2.04	1.75	1.20	1.30	1.20	1.28
<i>Myosin Cytoskeleton</i>																		
	CG7438	Myo31DF	1.28	1.19	1.45	1.26	1.75	1.79	2.21	4.10	1.43	1.92	2.29	2.18	1.17	1.38	1.34	1.20
<b>Metabolism</b>																		
<i>Lipid metabolism &amp; transport</i>																		
	CG9009	BcDNA:GH02901	0.87	0.86	0.91	0.83	1.56	1.78	3.06	2.44	1.43	3.02	2.40	1.82	1.14	1.33	1.28	1.01
	CG31148	CG31148	0.80	0.87	1.02	0.86	0.95	0.97	1.55	2.12	1.14	1.36	2.31	2.73	0.98	1.04	2.00	1.56
	CG6271	CG6271	0.87	0.74	0.69	1.11	0.91	0.78	1.08	2.32	0.99	1.00	1.71	3.14	0.80	1.05	1.85	2.04
<i>Nucleotide metabolism &amp; transport</i>																		
	CG8353	CG8353	0.89	1.07	1.09	1.04	0.95	1.51	2.00	3.85	1.10	1.80	3.88	3.27	1.07	1.21	1.70	1.68
<i>Carbohydrates metabolism &amp; transport</i>																		
	CG4649	Sodh-2	0.86	0.96	1.13	1.07	1.06	1.22	2.19	2.36	1.18	1.42	2.41	1.66	0.90	1.01	1.16	1.36
	CG3001	Hex-A	1.24	1.08	0.99	0.96	1.34	1.62	1.39	2.09	1.39	2.08	1.26	1.43	1.18	1.35	1.07	1.01
<i>Acyl-CoA homeostasis</i>																		
*	CG15829	CG15829	0.97	0.82	1.00	1.23	0.73	1.26	2.29	5.74	0.91	1.63	3.91	4.04	1.08	1.01	2.10	2.51
<i>Ion transport and homeostasis</i>																		
	CG3725	Ca-P60A	1.14	1.75	1.28	1.19	2.00	2.45	1.94	1.09	1.60	2.52	1.57	1.27	1.36	2.02	1.42	1.46
	CG7571	CG7571	1.05	1.23	1.02	0.91	1.73	2.12	2.02	2.39	1.57	2.61	2.22	1.88	1.20	1.54	1.21	1.21
	CG9470	MtnA	0.59	1.46	0.93	1.35	0.58	0.65	0.50	0.97	0.69	0.73	0.39	0.62	0.81	0.90	1.01	1.09
	CG4312	MtnB	0.83	1.25	0.82	1.36	0.66	0.69	0.49	1.38	0.59	0.55	0.40	0.64	0.88	0.84	0.98	1.13
*	CG7459	CG7459	1.01	0.64	0.96	0.96	1.37	0.91	1.18	0.38	1.34	0.69	1.08	0.49	0.95	0.77	0.73	0.50
*	CG5097	CG5097	0.74	1.25	0.58	1.09	0.57	0.40	0.22	0.52	0.51	0.47	0.18	0.34	0.78	0.69	0.74	1.07
<i>Other metabolism</i>																		
	CG11661	CG11661	0.91	1.19	0.83	1.19	1.95	2.17	1.93	2.49	1.58	2.33	1.64	1.97	1.07	1.47	1.06	1.22
	CG2674	M(2)21AB	0.76	1.31	1.06	1.07	1.62	2.04	2.08	2.38	1.49	2.62	2.03	1.89	1.32	1.54	1.25	1.37
<b>Peritrophic membrane constituents</b>																		
	CG7248	CG7248	0.99	0.97	1.00	0.98	0.90	0.99	1.28	3.16	0.92	1.45	2.19	1.71	0.97	1.06	1.11	1.18
	CG7298	CG7298	0.89	0.95	1.05	0.87	0.93	1.21	2.36	5.60	0.88	1.30	2.31	2.21	0.89	0.93	1.17	1.36
	CG32656	CG2779	1.06	1.41	1.29	1.04	1.90	1.97	1.79	2.64	1.38	2.25	1.63	1.99	1.17	1.51	1.28	1.16
	CG9077	CG9077	0.78	0.93	0.64	1.26	1.16	1.32	0.58	0.28	1.26	1.04	0.51	0.36	1.17	1.22	1.03	1.05
	CG32404	CG32404	0.71	0.51	0.68	1.06	1.07	0.75	0.39	0.24	1.36	0.67	0.25	0.50	0.89	0.81	0.73	0.73

## Lectins

CG15818	CG15818	0.97	1.13	0.95	0.91	0.99	1.45	1.77	4.07	0.99	1.94	2.71	2.59	1.04	1.10	1.14	1.14
---------	---------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

## Genetic information related

### Protein translation and metabolism

CG11624	Ubi-p63E	1.76	1.69	1.27	1.13	1.58	1.42	1.79	2.74	1.52	2.06	1.41	1.88	1.39	1.33	1.18	1.28
CG8552	CG8552	0.76	1.46	1.29	1.32	1.34	1.90	1.56	2.25	1.22	2.14	1.49	1.57	1.03	1.37	1.03	1.25

### DNA & RNA metabolism

CG10279	Rm62	1.20	1.39	1.37	1.04	1.40	1.28	1.72	2.38	1.43	1.95	1.63	2.05	1.45	1.65	1.38	1.27
---------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

### Transcription factors not assigned to specific pathway

CG10360	ref(2)P	1.38	1.63	1.59	0.96	1.62	1.75	2.67	3.28	1.53	2.16	3.09	2.12	1.39	1.36	1.51	1.32
---------	---------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

CG4216	term	0.71	0.64	0.58	0.95	0.72	1.02	0.44	0.73	0.63	0.80	0.27	0.71	0.87	0.56	0.32	0.66
--------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

## Signal transduction

### G-protein pathway

CG13388	Akap200	1.37	1.44	0.97	0.65	1.59	2.12	1.63	1.78	1.41	2.40	2.14	1.79	1.45	1.51	1.41	0.87
CG10379	mbc	1.22	1.61	1.25	1.04	1.42	2.11	1.84	3.00	1.23	2.43	1.63	1.64	1.19	1.41	1.20	1.10

### Cell adhesion

CG5820	Gp150	1.19	1.23	1.17	0.96	1.84	1.72	1.64	2.15	1.48	2.00	1.57	1.85	1.38	1.33	1.30	1.02
--------	-------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

### JAK-STAT pathway

CG4257	Stat92E	1.25	1.09	1.24	0.86	1.76	2.05	2.28	2.19	1.79	3.17	2.63	2.01	1.37	1.61	1.42	0.95
--------	---------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

## Apoptosis

CG18188	Damm	0.92	1.11	1.16	1.12	0.98	1.09	1.28	3.63	1.03	1.37	2.03	1.89	0.97	0.96	0.93	1.10
---------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

## Miscellaneous

CG6640	CG6640	0.78	0.74	1.00	1.30	1.01	3.78	9.24	28.48	1.00	4.70	8.09	4.36	1.10	1.18	1.61	2.95
CG3814	BEST:CK02213	0.96	1.16	1.36	1.04	0.95	1.23	1.71	4.31	1.06	1.30	2.16	1.66	0.91	1.01	1.15	1.30
CG9078	ifc	0.79	0.95	1.02	1.25	1.48	1.53	1.74	4.20	1.36	1.81	1.91	2.13	0.96	1.23	1.13	1.51
CG8588	pastrel	0.96	1.28	1.09	1.51	1.76	1.68	2.00	5.39	1.58	2.15	1.91	2.74	1.20	1.39	1.10	1.63
CG9449	CG9449	1.07	1.29	1.15	0.80	0.98	1.31	2.06	1.57	1.07	1.68	2.10	1.36	1.07	1.17	1.32	1.12
CG5150	CG5150	1.02	1.32	1.01	1.23	1.09	0.82	0.41	0.33	1.13	0.63	0.40	0.39	0.98	0.91	0.96	1.09

## Proteins of unknown function

### Contains protein domain

* CG7816	CG7816	0.92	0.97	1.10	0.89	0.88	1.29	1.59	2.12	0.90	1.62	2.08	1.70	0.94	1.09	1.33	1.06
* CG12846	Tsp42Ed	1.05	1.19	1.18	1.01	1.06	1.23	1.72	3.27	0.96	1.47	2.04	1.70	0.98	1.07	1.21	1.20
* CG18607	CG18607	0.84	0.72	0.76	1.17	0.90	0.80	0.43	0.39	0.94	0.69	0.43	0.63	0.90	0.93	1.05	0.88
* CG9576	CG9576	1.24	0.72	0.52	1.24	0.97	0.49	0.46	0.81	0.90	0.53	0.33	0.79	0.96	0.61	0.45	0.99

### No domain predicted

CG16775	CG16775	0.76	0.76	0.75	0.83	0.98	3.24	8.66	23.99	0.83	3.21	11.26	7.65	1.10	1.12	1.66	2.97
CG13482	CG13482	1.49	1.16	1.70	0.84	1.08	3.14	10.13	18.95	1.74	3.27	15.44	5.54	1.71	1.40	1.72	2.40
CG14499	CG14499	0.93	0.90	0.89	0.86	0.89	1.88	4.85	16.42	0.91	1.68	4.75	4.54	1.01	1.06	2.12	2.39
CG5506	CG5506	0.82	0.85	0.85	0.77	0.76	1.78	3.65	10.24	0.84	2.05	4.66	4.30	0.96	1.09	2.04	2.31
CG10911	CG10911	0.80	1.11	1.50	1.07	1.03	1.81	2.89	9.95	0.98	1.71	4.36	3.71	1.00	1.19	1.48	1.68
CG15043	CG15043	1.04	1.20	1.37	0.85	0.72	1.25	2.67	7.06	0.97	1.96	4.16	2.82	1.11	0.96	1.44	1.51
CG9568	CG9568	1.39	1.14	1.96	1.12	0.98	1.57	4.46	6.85	1.19	2.02	6.07	3.76	1.25	1.05	1.92	1.90
* CG15423	CG15423	0.84	0.80	1.21	0.91	0.89	1.07	2.43	6.43	0.88	1.13	2.40	1.84	0.99	1.05	1.46	1.45
* CG15784	CG15784	1.47	1.40	1.49	1.06	0.99	1.44	2.72	5.40	1.07	1.85	2.75	2.07	1.15	1.30	1.72	1.57
CG13321	CG13321	0.87	1.05	1.30	1.07	0.95	1.56	2.33	4.42	1.05	1.72	2.99	2.22	0.99	1.07	1.33	1.64
CG32302	CG32302	0.86	0.89	1.25	0.99	0.62	0.86	2.10	4.04	0.86	1.33	3.40	2.25	0.82	0.82	1.68	1.22
CG15347	CG15347	1.01	1.14	1.35	1.31	0.96	1.26	1.73	3.94	1.10	1.31	2.12	1.68	1.10	0.98	1.23	1.47
CG13102	CG13102	0.80	0.95	1.04	1.22	0.86	1.05	1.48	3.88	1.14	1.55	2.20	2.41	0.97	0.95	1.36	1.51
CG13323	CG13323	1.02	1.78	1.11	0.79	0.71	1.56	1.86	3.72	0.79	2.33	2.86	2.26	0.81	1.04	1.26	1.14
* CG15126	CG15126	1.12	1.29	1.49	1.14	0.93	1.38	2.32	3.57	1.00	1.83	3.74	2.58	1.02	0.93	1.46	1.72
* CG30029	CG30029	1.20	1.32	1.33	1.01	1.09	1.26	1.90	3.47	1.16	1.46	2.25	2.35	1.02	0.95	1.33	1.39
CG13704	CG13704	1.12	1.13	1.21	1.02	1.13	1.21	1.75	3.38	1.05	1.46	2.27	1.96	0.98	0.95	0.99	1.18
* CG10912	CG10912	0.95	1.09	0.84	0.47	0.89	1.96	2.61	3.85	0.89	2.71	3.91	2.43	1.25	1.15	1.47	1.24
CG13324	CG13324	1.18	1.16	1.10	0.92	0.72	0.87	1.19	3.23	0.84	1.03	2.27	1.62	0.94	0.92	1.42	1.20
* CG2081	CG2081	1.57	1.40	1.81	0.78	0.77	0.86	1.88	3.22	1.02	1.32	2.20	1.95	0.80	0.76	1.06	0.87
CG13510	CG13510	1.15	1.30	1.09	0.82	0.95	1.33	1.82	2.94	1.05	1.54	2.30	1.88	1.11	1.08	1.15	1.24
CG16762	CG16762	0.74	0.87	0.93	1.17	0.83	0.90	1.20	2.86	0.84	0.97	1.57	2.30	0.87	0.99	1.12	1.16
CG11686	CG11686	1.02	1.09	1.02	0.79	0.98	1.29	1.87	2.80	1.23	1.67	2.75	2.01	1.09	1.16	1.26	1.23
* CG7294	CG7294	1.64	1.36	1.18	0.73	1.08	1.80	3.32	2.37	1.26	2.36	4.14	2.45	1.16	1.41	1.85	1.24
CG5011	CG5011	0.97	1.06	0.99	1.05	1.06	1.27	1.68	2.25	1.05	1.53	2.11	1.79	1.08	1.05	1.12	1.27

CG14204	CG14204	0.94	0.90	0.98	1.01	0.92	1.00	1.28	2.06	0.92	1.06	2.09	1.73	0.92	0.98	1.11	1.11
CG13335	CG13335	1.11	1.14	1.25	1.16	1.07	1.39	1.75	2.04	1.08	1.51	2.02	2.45	1.10	1.10	1.56	1.66
CG16926	CG16926	1.93	1.30	1.16	0.90	1.90	1.61	2.28	1.98	2.00	1.53	2.56	1.30	1.72	1.28	1.23	1.36
CG6770	CG6770	1.66	1.43	1.25	0.68	1.51	2.07	2.68	1.94	1.66	1.90	2.68	1.67	1.54	1.18	1.54	0.79
CG7224	CG7224	0.95	0.70	1.38	0.74	0.89	1.75	4.19	1.94	1.09	2.07	4.05	1.30	0.93	1.13	1.45	1.02
CG7296	CG7296	1.14	1.39	1.35	0.95	1.14	1.41	2.17	0.99	1.16	1.80	2.38	1.29	1.10	1.12	1.76	1.25
CG18349	CG18349	0.68	0.81	0.72	1.18	1.32	2.08	0.71	0.50	1.12	1.20	0.57	0.46	1.02	1.40	0.82	0.87
CG11350	CG11350	0.62	1.09	0.62	1.25	2.30	3.25	0.78	0.33	1.49	1.68	0.60	0.26	1.66	2.46	1.14	1.43
CG12057	CG12057	1.01	0.52	0.73	1.04	0.96	0.57	0.51	0.19	1.21	0.51	0.35	0.23	0.87	0.55	0.76	0.59

Up-regulated (fold)  
Down-regulated (fold)

> 2	> 4	> 8	> 16
< 4	< 2		