

Table 5. Expression profile for the genes specifically regulated after *Ecc15* natural infection

Ad	CG	NAME	Septic injury				<i>Pe</i>				<i>Ecc15</i>				<i>gacA::Tn5</i>			
			90	180	360	720	90	180	360	720	90	180	360	720	90	180	360	720
Protease																		
<i>Serine proteases</i>																		
*	CG18563	CG18563	0.94	0.96	1.25	0.89	1.14	1.26	1.83	1.71	1.23	1.61	2.40	1.75	1.00	1.13	1.44	1.08
	CG10475	CG10475	0.85	0.77	0.84	0.80	0.91	0.83	0.86	0.97	0.91	0.64	0.48	0.49	0.85	0.83	0.94	0.91
*	CG6580	CG6580	0.84	0.79	0.92	0.71	1.06	0.80	0.71	0.83	0.99	0.62	0.37	0.36	0.91	0.80	0.84	0.78
*	CG8871	CG8871	0.98	0.99	0.95	1.06	0.99	0.98	0.96	0.65	1.01	0.97	0.71	0.46	0.98	0.93	0.95	1.04
*	CG7118	CG7118	0.99	0.99	0.96	1.00	0.96	0.98	0.94	0.57	0.98	0.90	0.49	0.38	0.97	0.93	0.97	0.97
	CG17571	CG17571	0.78	0.61	0.82	0.99	0.93	0.83	0.64	0.52	0.96	0.50	0.58	0.47	0.81	0.72	0.66	0.89
	CG11911	CG11911	0.92	0.67	0.83	0.97	1.10	0.78	0.82	0.52	1.15	0.68	0.62	0.39	0.94	0.82	0.90	0.79
	CG18030	CG18030	0.92	1.01	0.95	1.17	1.39	1.33	1.22	0.50	1.00	0.76	0.49	0.27	0.98	1.02	1.09	0.77
<i>Others</i>																		
	CG17109	CG17109	0.94	1.21	1.39	1.07	0.90	1.38	1.75	1.40	0.98	2.15	3.12	1.64	1.01	1.12	1.39	1.61
	CG4821	Tequila	1.41	1.91	1.71	1.50	1.58	1.65	1.43	1.59	1.36	2.02	1.44	1.75	1.29	1.41	1.20	1.27
*	CG8562	CG8562	0.74	0.87	1.08	1.36	1.06	1.06	0.88	0.55	0.88	0.65	0.41	0.38	0.89	1.03	0.84	1.06
Detoxification & stress response																		
<i>GST</i>																		
	CG4421	GstD27	1.07	0.98	1.02	1.09	1.04	1.06	1.08	1.10	1.05	0.98	1.57	2.78	1.08	1.08	1.15	1.20
<i>Cytochrome</i>																		
*	CG8345	Cyp6w1	0.88	1.11	1.32	1.53	1.08	1.05	1.09	0.51	1.14	1.02	0.83	0.43	1.00	1.01	1.06	0.85
Cytoskeleton related																		
<i>Actin cytoskeleton</i>																		
	CG3937	cher	1.07	1.42	1.04	0.90	1.79	1.92	1.71	1.44	1.55	2.29	1.59	1.72	1.39	1.75	1.43	1.17
Metabolism																		
<i>Amino acid metabolism & transport</i>																		
	CG9244	Acon	1.04	1.28	0.88	1.06	1.76	1.74	1.69	1.21	1.57	2.12	1.27	1.36	1.32	1.60	1.21	1.36
<i>Nucleotide metabolism & transport</i>																		
	CG3989	ade5	1.05	1.17	0.85	0.66	0.97	1.33	1.54	1.48	1.12	2.08	1.48	1.44	1.07	1.24	1.27	0.83
<i>Carbohydrates metabolism & transport</i>																		
*	CG6910	CG6910	0.87	0.72	0.87	0.87	1.15	1.23	1.73	1.31	1.12	1.75	2.28	1.35	1.05	1.18	1.45	1.18
<i>Ion transport and homeostasis</i>																		
	CG3979	Indy	0.82	1.00	0.79	1.17	1.75	1.69	1.07	1.16	1.38	2.65	0.91	1.38	1.18	1.64	0.97	1.09
Peritrophic membrane constituents																		
	CG6947	CG6947	0.98	1.29	1.24	0.98	1.69	1.47	1.48	0.87	1.38	2.16	1.54	1.97	1.27	1.44	1.37	1.14
*	CG14957	CG14957	1.26	1.16	1.14	0.78	0.77	1.07	1.42	1.83	1.12	2.04	1.18	1.46	1.17	1.04	1.45	1.08
Lectins																		
	CG33171	CG8645	1.32	1.75	1.17	1.12	1.29	1.99	1.40	1.80	1.12	2.34	1.75	1.67	1.08	1.39	1.15	1.18
Genetic information related																		
<i>Protein translation and metabolism</i>																		
*	CG10811	eIF-4G	1.14	1.32	1.01	1.11	1.68	1.73	1.24	1.31	1.55	2.08	1.30	1.51	1.19	1.58	1.52	1.11
Signal transduction																		
<i>Cell proliferation</i>																		
	CG11352	jim	1.18	1.34	1.17	1.00	1.67	1.84	1.52	1.70	1.43	2.18	1.73	1.70	1.20	1.43	1.20	0.97
<i>Other protein kinase</i>																		
	CG17245	plexB	0.99	0.91	0.76	1.15	1.40	1.51	0.98	1.86	1.31	2.55	0.90	1.66	1.13	1.32	0.88	1.03
Recognition																		
	CG8577	PGRP-SC1b	1.15	1.20	1.36	0.91	1.06	1.00	1.15	1.55	0.95	0.91	1.30	3.55	1.04	0.91	1.57	1.68

Miscleanous

CG11064	RfaBp	1.05	1.00	0.60	1.18	1.61	1.45	1.33	1.33	1.58	2.06	1.29	1.55	1.16	1.50	1.21	1.14
CG9397	1.28'	0.84	1.10	1.36	1.02	1.21	1.49	1.93	1.16	1.33	0.99	2.12	1.02	1.32	1.35	0.98	1.16
CG9280	Glt	1.27	1.36	1.10	1.12	1.78	1.69	1.12	1.10	1.44	2.05	1.06	1.42	1.42	1.46	1.16	0.87

Proteins of unknown function*Contains protein domain*

CG10953	CG10953	0.65	0.69	0.75	0.95	1.49	1.41	0.84	0.55	0.98	1.06	0.68	0.49	1.19	1.40	0.84	1.00
---------	---------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------	------

No domain predicted

	CG14850	1.00	0.90	1.02	1.15	1.01	1.42	1.38	1.81	0.98	1.03	1.85	2.99	1.09	1.01	2.01	2.49
*	CG14852	0.95	0.98	1.27	1.20	1.08	1.09	1.55	1.97	1.02	1.14	2.50	2.97	0.97	0.99	1.46	1.54
	CG8157	0.92	0.99	1.39	1.35	0.72	1.49	1.62	1.96	0.93	2.23	2.88	1.84	1.02	1.25	1.55	1.16
*	CG16743	1.11	1.09	1.57	1.47	1.13	1.13	1.41	1.84	1.11	1.51	2.10	1.60	1.03	1.08	0.94	1.13
*	CG15381	1.63	1.60	1.41	1.09	1.72	1.73	1.65	1.83	1.85	2.07	1.35	1.60	1.25	1.17	1.00	0.81
	CG8087	0.90	0.81	1.19	1.12	0.89	0.96	1.43	1.71	1.07	0.97	2.06	1.98	1.03	0.91	1.52	1.67
	CG33205	1.36	1.52	1.06	1.14	1.87	1.78	1.39	1.37	1.55	2.46	1.28	1.58	1.41	1.72	0.96	1.29
	CG7299	0.85	1.49	1.79	1.29	1.05	1.50	1.85	1.29	1.14	1.46	2.34	1.01	1.11	1.35	1.45	1.45
	CG6489	0.91	0.92	0.95	1.25	1.26	1.30	1.37	1.00	0.93	1.21	2.95	0.94	0.71	1.09	0.96	1.08
	CG13731	0.84	0.94	0.69	0.63	1.05	1.23	0.93	0.59	1.19	2.40	1.17	0.87	1.38	1.78	1.67	1.52
	CG6908	0.73	1.21	1.12	1.31	1.16	1.48	1.33	1.60	1.23	1.09	0.44	0.28	1.03	1.20	0.91	0.85

Up-regulated (fold)

> 2

> 4

> 8

> 16

Down-regulated (fold)

< 4

< 2